

	10	20	30	40	50	60	70	80
Cattle	-CAAGAATGCTACTTGGCAATGG	TTCCCTTCCC	ATGCGGTTGTGGCTCGA	ACTGTGGGC	GGCA	AAGGAGGATGTGATCTGG	GAAC-	
Gayal	TCAAGAATGCTACTTGGCAATGG	TTCCCTTCCC	ATGCGGTTGTGGCTCGA	ACTGTGGGC	GGCA	AAGGAGGATGTGATCTGG	AA	C
Zebu	TCAAGAATGCTACTTGGCAATGG	TTCCCTTCCC	ATGCGGTTGTGGCTCGA	ACTGTGGGC	GGCA	AAGGAGGATGTGATCTGG	AA	CA
Water b.4	TCAAGAATGCTACTTGGCAATGG	TTCCCTTCCC	ATGCGGTTGTGGCTCGA	ACTGTGGGC	GGCA	AAGGAGGATGTGATCTGG	AA	CA
Water b.2	TCAAGAATGCTACTTGGCAATGG	TTCCCTTCCC	ATGCGGTTGTGGCTCGA	ACTGTGGGC	GGCA	AAGGAGGATGTGATCTGG	AA	CA
Yak	TCAAGAATGCTACTTGGCAATGG	TTCCCTTCCC	ATGCGGTTGTGGCTCGA	ACTGTGGGC	GGCA	AAGGAGGATGTGATCTGG	AA	CA
Consensus	tCAAGAATGCTACTTGGCAATGG	TTCCCTTCCC	ATGCGGTTGTGGCTCGA	ACTGTGGGC	GGCA	AAGGAGGATGTGATCTGG	AA	Ca

Figure Alignment of the transferrin amplicon sequences of cattle (*Bos taurus*), gayal, zebu, yak and 2 different individuals of water buffalo.
The bosTF1/TR1 priming sites are marked in blue.